

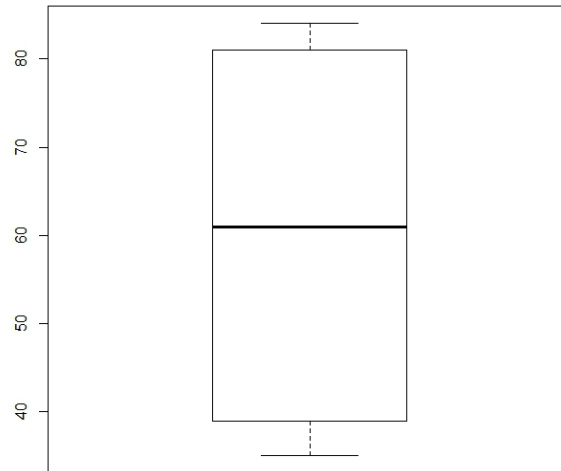
RESOLUCIÓN: Ejercicio 1

```
> suero <- scan()
```

o bien:

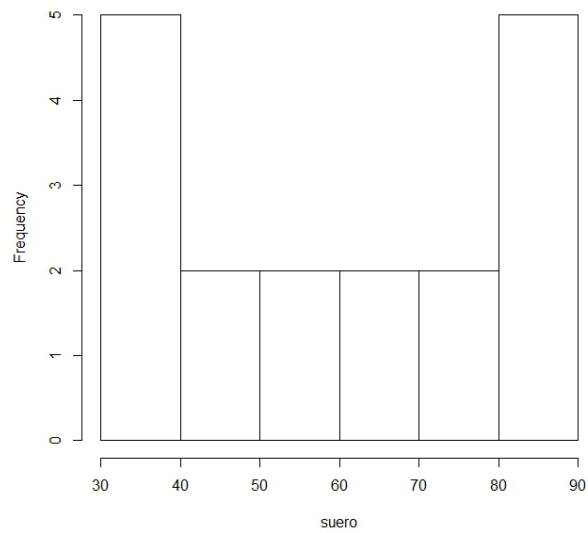
```
> suero <- c(35,36,37,37,39,44,48,56,60,76,81,83,83,84,84,85)
```

```
> boxplot(suero)
```



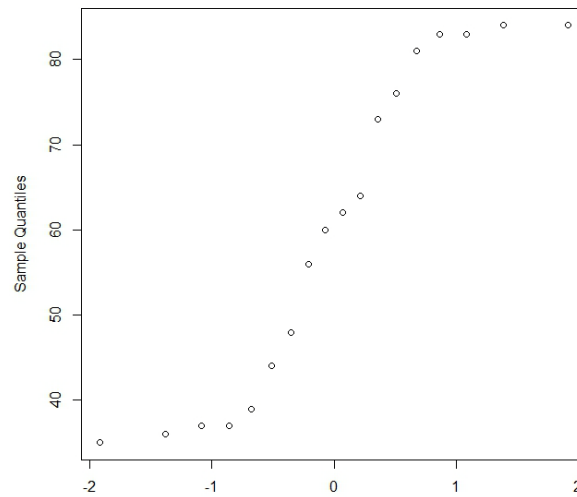
Histogram of suero

```
> hist(suero)
```



Normal Q-Q Plot

```
> qqnorm(suero)
```



```
> shapiro.test(suero)
```

```
Shapiro-Wilk normality test
```

```
data: suero  
W = 0.8169, p-value = 0.004602
```

Para aplicar los tests no paramétricos es necesario cargar una librería:

```
> library(BSDA)
```

Como la distribución es simétrica corresponde usar el Test de Wilcoxon, pero apliquemos ambas alternativas para ver qué dan:

```
> SIGN.test (suero, md=40, alternative ="two.sided")
```

```
One-sample Sign-Test
```

```
data: suero  
s = 13, p-value = 0.09625  
alternative hypothesis: true median is not equal to 40  
95 percent confidence interval:  
40.46218 79.53782  
sample estimates:  
median of x  
61
```

	Conf.Level	L.E.pt	U.E.pt
Lower Achieved CI	0.9037	44.0000	76.0000
Interpolated CI	0.9500	40.4622	79.5378
Upper Achieved CI	0.9691	39.0000	81.0000

```
> wilcox.test (suero , alternative ="two.sided", mu=40, exact=FALSE)
```

```
Wilcoxon signed rank test with continuity correction
```

```
data: suero  
V = 154.5, p-value = 0.002839  
alternative hypothesis: true location is not equal to 40
```

Se puede ver que a nivel 0.05 con el test del signo no se rechaza la hipótesis nula, pero sí con el test de rangos signados.

Ejercicio 2

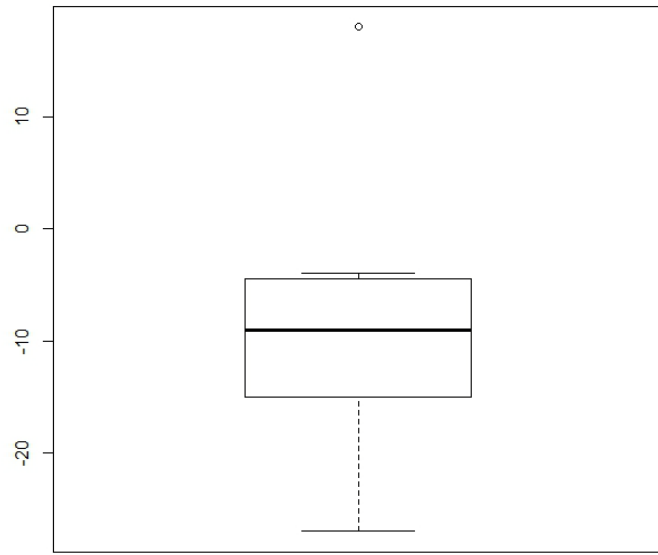
```
> antes <- c(25,25,27,44,30,67,53,53,52,60,28)  
> despues <- c(30,29,37,50,46,82,57,80,61,42,43)  
> diferencias <- antes - despues
```

```
> shapiro.test(diferencias)
```

```
Shapiro-Wilk normality test
```

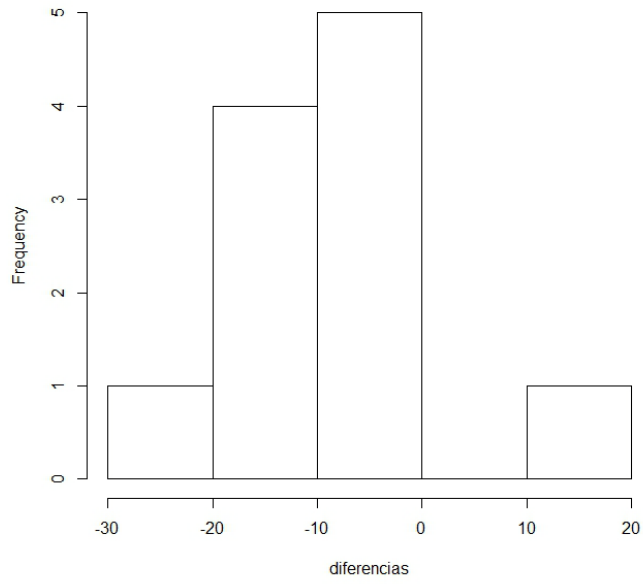
```
data: diferencias  
W = 0.8936, p-value = 0.1541
```

```
> boxplot(diferencias)
```



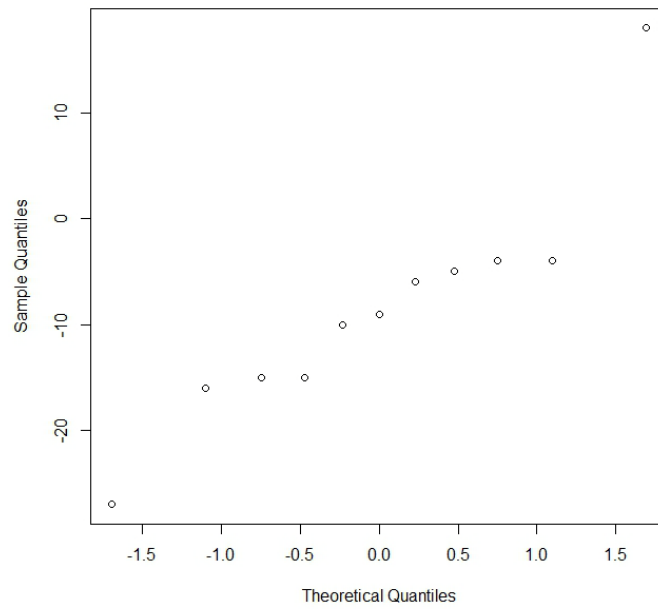
Histogram of diferencias

```
> hist(diferencias)
```



```
> qqnorm(diferencias)
```

Normal Q-Q Plot



Si bien el p-valor dio más grande que 0.05 analizando los gráficos rechazo la hipótesis de normalidad de las diferencias.

Por otro lado como es una muestra y no es simétrica hay que utilizar el test del signo:

```
> SIGN.test(diferencias,md=0,alternative="less")
```

One-sample Sign-Test

```
data: diferencias
s = 1, p-value = 0.005859
alternative hypothesis: true median is less than 0
95 percent confidence interval:
 -Inf -4.214545
sample estimates:
median of x
 -9
```

	Conf.Level	L.E.pt	U.E.pt
Lower Achieved CI	0.8867	-Inf	-5.0000
Interpolated CI	0.9500	-Inf	-4.2145
Upper Achieved CI	0.9673	-Inf	-4.0000

Ejercicio 3

```
A <- c(79.98,80.04,80.02,80.04,80.03,80.03,80.04,79.97,80.05,80.03,80.02,80,80.02)
B <- c(80.02,79.94,79.98,79.97,79.97,80.03,79.95,79.97)
```

a) Primero hay que ver si las varianzas son iguales o no:

```
> var.test (A, B, alternative="two.sided")
```

F test to compare two variances

```
data: A and B
F = 0.5837, num df = 12, denom df = 7, p-value = 0.3938
alternative hypothesis: true ratio of variances is not equal to 1
95 percent confidence interval:
 0.1251097 2.1052687
sample estimates:
ratio of variances
 0.5837405
```

Luego aplico el Test T:

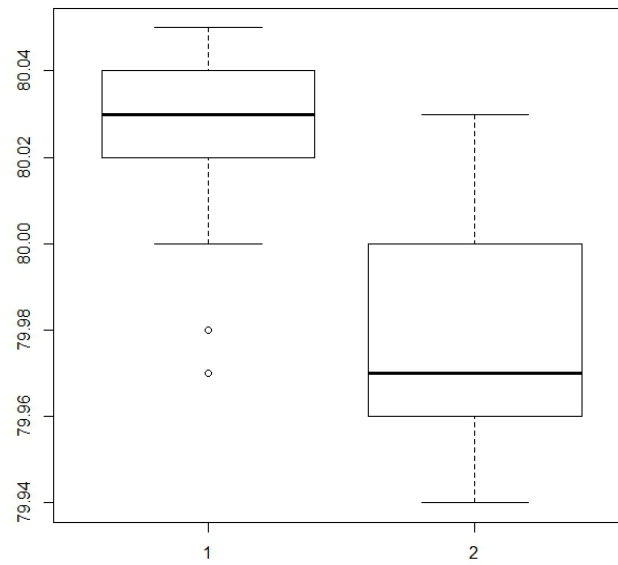
```
> t.test (A, B, alternative="two.sided", var.equal=TRUE, conf.level=0.95)
```

Two Sample t-test

```
data: A and B
t = 3.4722, df = 19, p-value = 0.002551
alternative hypothesis: true difference in means is not equal to 0
95 percent confidence interval:
 0.01669058 0.06734788
sample estimates:
mean of x mean of y
 80.02077 79.97875
```

b) Para decidir entre las dos alternativas debo ver los boxplots y ver si una es un corrimiento de la otra:

```
> boxplot(A,B)
```



Entonces hay que utilizar el test de la mediana:

```
> median.test(A,B)
```

```
      T      p-value  
[1,] 5.130357 0.02351089
```